

## AED2 - Aula 22

### Busca em largura, cálculo de distâncias

Relembrando a busca genérica, usando um versão alternativa:

- marque todos os vértices como não encontrados.
- marque  $s$  como encontrado.
- coloque  $s$  no conjunto de vértices ativos,
  - i.e., encontrados mas não visitados.
- enquanto o conjunto de ativos não estiver vazio,
  - remova um vértice  $v$  dos ativos,
  - marque  $v$  como visitado,
  - coloque nos ativos todos os vizinhos de  $v$ 
    - que ainda não foram visitados.

Existem dois tipos de busca em grafo que são muito eficientes

- e cumprem funções bastante diferentes,
  - embora ambas sejam especializações da busca genérica.
- Uma delas é a busca em largura,
  - ou BFS (Breadth-First Search).
- A outra é a busca em profundidade,
  - ou DFS (Depth-First Search).

Hoje vamos nos aprofundar na BFS,

- que explora o grafo em camadas a partir de um vértice inicial  $s$ .
- Por isso, ela é particularmente útil
  - para calcular a distância não ponderada entre vértices.

O comportamento da BFS está intimamente relacionado

- com a estrutura de dados fila (queue ou FIFO).

Pseudocódigo:

```
buscaLargura(grafo  $G=(V,E)$ , vértice  $s$ ) {  
  para  $v \in V$   
    marque  $v$  como não encontrado  
  marque  $s$  como encontrado  
  seja  $Q$  uma fila inicializada com o vértice  $s$   
  enquanto  $Q \neq \emptyset$   
    remova um vértice  $v$  do início de  $Q$   
    para cada aresta  $(v, w)$   
      se  $w$  não foi encontrado  
        marque  $w$  como encontrado
```

insira w no final de Q

}

Corretude:

- o algoritmo encontra todos os vértices alcançáveis a partir de s.
  - Esse resultado segue da corretude do algoritmo de busca genérica,
    - já que a busca em largura é um caso particular daquela.
- Além disso, o algoritmo de busca em largura
  - explora o grafo em camadas centradas em s, mas isso vamos mostrar
    - quando usarmos esse algoritmo para calcular distâncias.

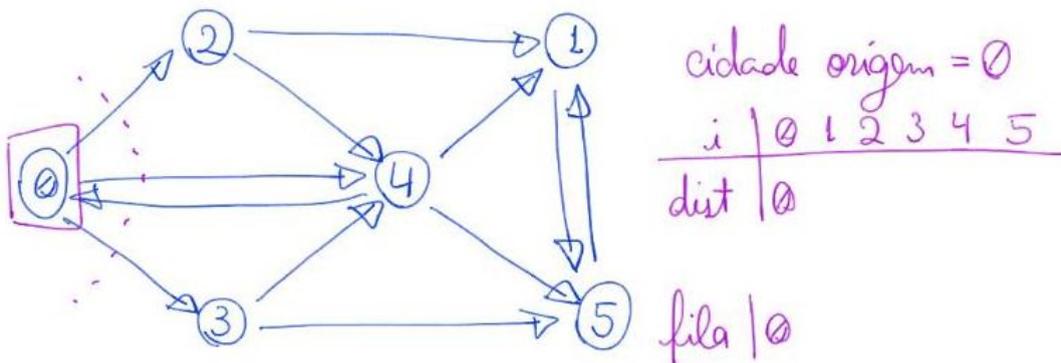
Eficiência:

- o algoritmo leva tempo  $O(n)$ 
  - para marcar todos os vértices do grafo como não encontrados
- o restante do algoritmo leva tempo  $O(n_s + m_s)$ ,
  - sendo  $n_s$  e  $m_s$ , respectivamente, o número de vértices e arestas
    - da componente que contém o vértice s.
- Isso porque, em cada iteração do laço principal,
  - um vértice é removido da fila.
  - Logo, esse laço é executado  $O(n_s)$  vezes.
- Como cada vértice é colocado apenas uma vez na fila,
  - pois nunca inserimos vértices já encontrados,
  - cada aresta é visitada no máximo uma vez,
    - na iteração em que seu vértice origem sai da fila.
- Portanto, o algoritmo executa  $O(m_s)$  iterações do laço mais interno.

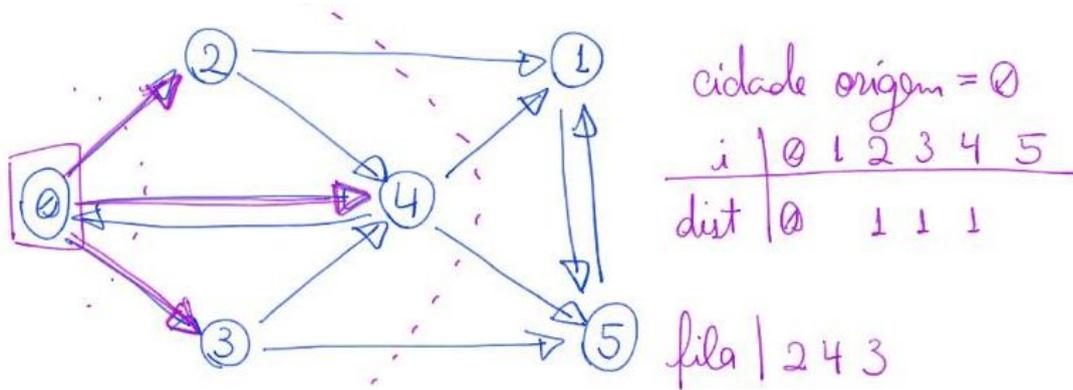
### Cálculo de distâncias

Exemplo 1:

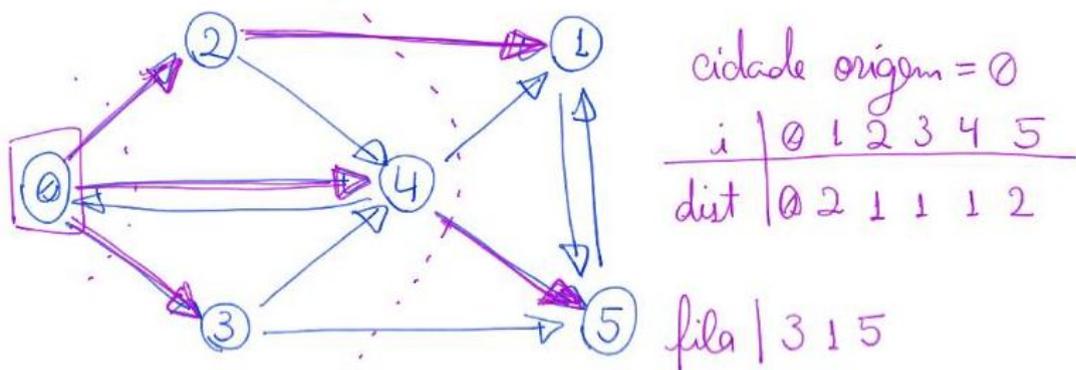
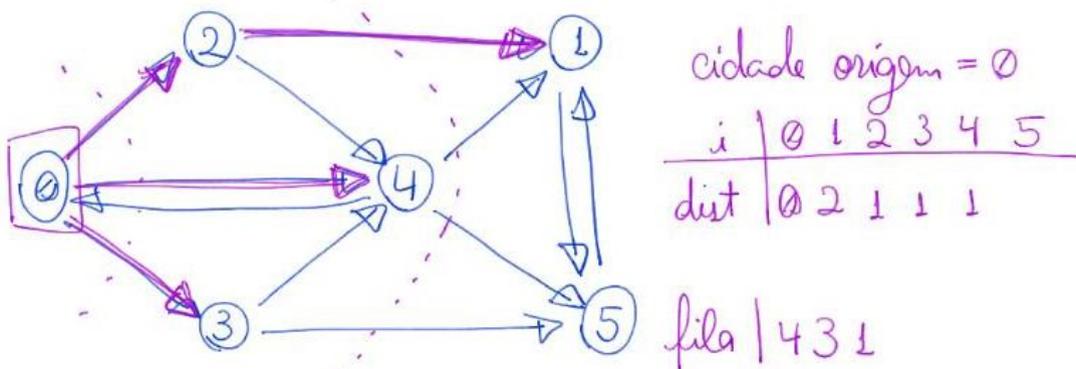
- No início apenas a cidade origem 0 é alcançável.



- Em cada iteração podemos encontrar novas cidades
  - e atualizar suas distâncias.



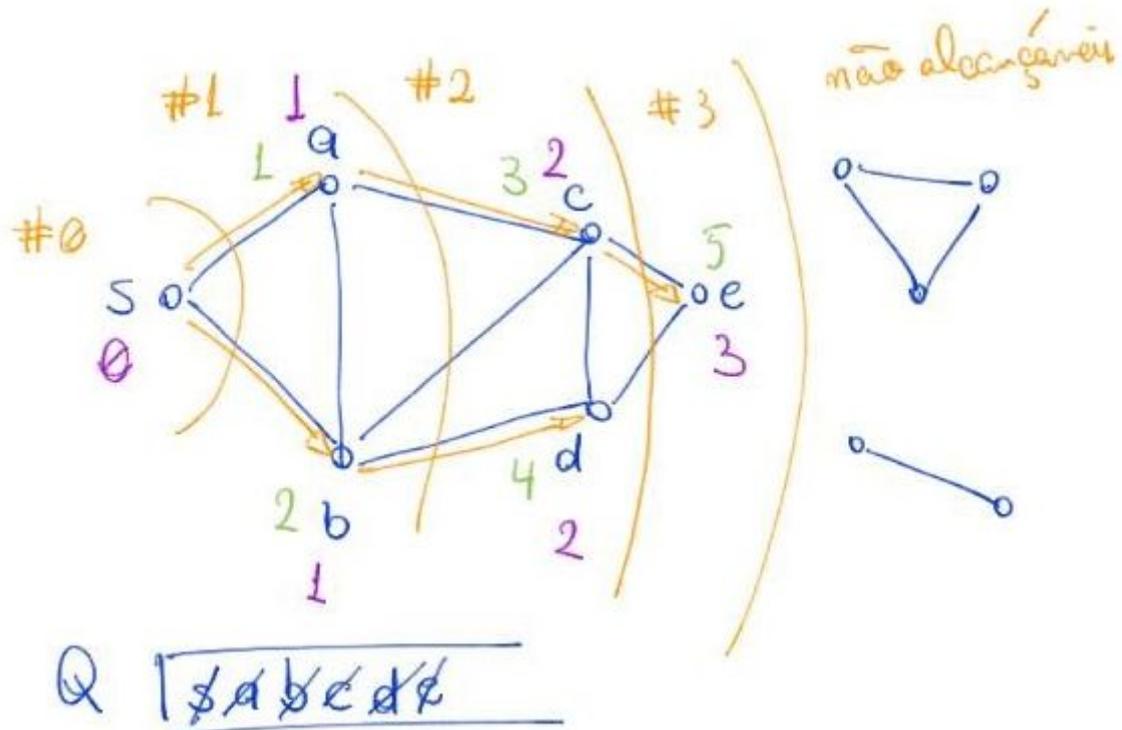
- Observe a importância de armazenar as cidades descobertas numa fila
  - para preservar a ordem de descoberta
    - e assim calcular corretamente as distâncias.



- Depois de alcançar todas as cidades podemos parar.

Exemplo 2:

- Legenda:
  - camadas em laranja,
  - ordem de descoberta dos vértices em verde,
  - distâncias em roxo.



Pseudocódigo:

distancias(grafo  $G=(V,E)$ , vértice  $s$ ) {

  para  $v \in V$

    marque  $v$  como não encontrado

$\text{dist}[v] = +\infty$

  marque  $s$  como encontrado

$\text{dist}[s] = 0$

  seja  $Q$  uma fila inicializada com o vértice  $s$

  enquanto  $Q \neq \text{empty}$

    remova um vértice  $v$  do início de  $Q$

    para cada aresta  $(v, w)$

      se  $w$  não foi encontrado

        marque  $w$  como encontrado

        insira  $w$  no final de  $Q$

$\text{dist}[w] = \text{dist}[v] + 1$

Vamos mostrar que um vértice qualquer  $v$

- tem  $\text{dist}[v] = k$  se, e somente se, ele está na camada  $k$ ,
  - ou seja, o caminho mais curto de  $s$  até  $v$  tem comprimento  $k$ .

A prova segue por indução no número de camadas, ou seja,

- queremos mostrar que para todo vértice  $v$  da camada  $k$  temos  $\text{dist}[v] = k$ .

Caso base: temos apenas o vértice  $s$  na camada 0 e  $\text{dist}[s] = 0$ .

H.I.: para todo vértice  $v$  de uma camada  $k' < k$  temos  $\text{dist}[v] = k'$ .

Passo:

- considere a iteração em que o algoritmo encontra um vértice  $w$ 
  - e atribui  $\text{dist}[w] = k$  para ele.
- Certamente o último vértice que o algoritmo removeu da fila
  - foi um vértice  $v$  com  $\text{dist}[v] = k-1$ ,
    - já que  $\text{dist}[w] = \text{dist}[v] + 1$ .
- Pela H.I.  $v$  está na camada  $k-1$ ,
  - portanto existe um caminho de comprimento  $k$  até  $w$ .
- Resta mostrar que não existe um caminho
  - de comprimento menor que  $k$  até  $w$ .
- Note que, se fosse esse o caso, pela H.I. teríamos
  - $\text{dist}[w] = k'$  para algum  $k' < k$ .
- Como  $w$  ainda não havia sido encontrado,
  - sabemos que esse não é o caso.
- Portanto, o algoritmo calcula corretamente a distância até  $w$ .

Código cálculo de distâncias com grafo implementado por matriz de adjacência

```
int *distancias(Graph G, int s)
{
    int i, y;
    int *dist;
    Fila *q;

    dist = malloc(G->n * sizeof(int));
    /* inicializa a fila */
    q = criaFila(G->n);
    /* inicializa todos como não encontrados, exceto pelo x */
    for (i = 0; i < G->n; i++)
        dist[i] = -1;
    dist[s] = 0;
    /* colocando x na fila */
    insereFila(q, s);
    /* enquanto a fila dos ativos (encontrados
    mas não visitados) não estiver vazia */
    while (!filaVazia(q))
    {
        /* remova o mais antigo da fila */
        y = removeFila(q);
        /* para cada vizinho deste que ainda não foi encontrado */
        for (i = 0; i < G->n; i++)
            if (G->A[y][i] == 1 && dist[i] == -1)
```

```

    {
        /* calcule a distancia do vizinho
        e o coloque na fila */
        dist[i] = dist[y] + 1;
        insereFila(q, i);
    }
}
q = liberaFila(q);
return dist;
}

```

- Qual a eficiência deste algoritmo?

Código cálculo de distâncias com grafo implementado por lista de adjacência

```

int *distancias(Graph G, int s)
{
    int i, y;
    int *dist;
    Fila *q;
    link p;

    dist = malloc(G->n * sizeof(int));
    /* inicializa a fila */
    q = criaFila(G->n);
    /* inicializa todos como não encontrados, exceto pelo x */
    for (i = 0; i < G->n; i++)
        dist[i] = -1;
    dist[s] = 0;
    /* colocando x na fila */
    insereFila(q, s);
    /* enquanto a fila dos ativos
    (encontrados mas não visitados)
    não estiver vazia */
    while (!filaVazia(q))
    {
        /* remova o mais antigo da fila */
        y = removeFila(q);
        /* para cada vizinho deste que ainda não foi encontrado */
        p = G->A[y];
        while (p != NULL)
        {
            i = p->index;
            if (dist[i] == -1)
            {
                /* calcule a distancia do vizinho
                e o coloque na fila */
                dist[i] = dist[y] + 1;
                insereFila(q, i);
            }
        }
    }
}

```

```

        p = p->next;
    }
}
q = liberaFila(q);
return dist;
}

```

- Qual a eficiência deste algoritmo?

## Funções para ler grafos

- Compare a eficiência das seguintes funções de leitura.

Função auxiliar para ler de arquivo grafo representado por matriz binária

```

Graph readGraphMatrix(FILE *entrada)
{
    int n, v, w, value;
    Graph G;
    fscanf(entrada, "%d\n", &n);
    G = graphInit(n);
    for (v = 0; v < G->n; v++)
        for (w = 0; w < G->n; w++)
        {
            fscanf(entrada, "%d", &value);
            if (value == 1)
                graphInsertArcNotSafe(G, v, w);
        }
    return G;
}

```

Função auxiliar para ler de arquivo grafo gerado por graphPrint

```

Graph readGraphPrint(FILE *entrada)
{
    int n, m, v, w;
    Graph G;
    fscanf(entrada, "%d %d\n", &n, &m);
    G = graphInit(n);
    for (v = 0; v < G->n; v++)
    {
        fscanf(entrada, "%d", &w);
        while (w != -1)
        {
            graphInsertArcNotSafe(G, v, w);
            fscanf(entrada, "%d", &w);
        }
    }
    return G;
}

```

## Função auxiliar para ler de arquivo grafo gerado por graphShow

```
Graph readGraphShow(FILE *entrada)
{
    int n, m, v, w, tam;
    Graph G;
    char *str, *aux;
    fscanf(entrada, "%d %d\n", &n, &m);
    G = graphInit(n);
    tam = ((G->n * ((int)log10((double)G->n) + 1)) + 3) * sizeof(char);
    str = malloc(tam);
    for (v = 0; v < G->n; v++)
    {
        fgets(str, tam, entrada);
        aux = strtok(str, ":");
        aux = strtok(NULL, " \n");
        while (aux != NULL)
        {
            w = atoi(aux);
            graphInsertArcNotSafe(G, v, w);
            aux = strtok(NULL, " \n");
        }
    }
    free(str);
    return G;
}
```